

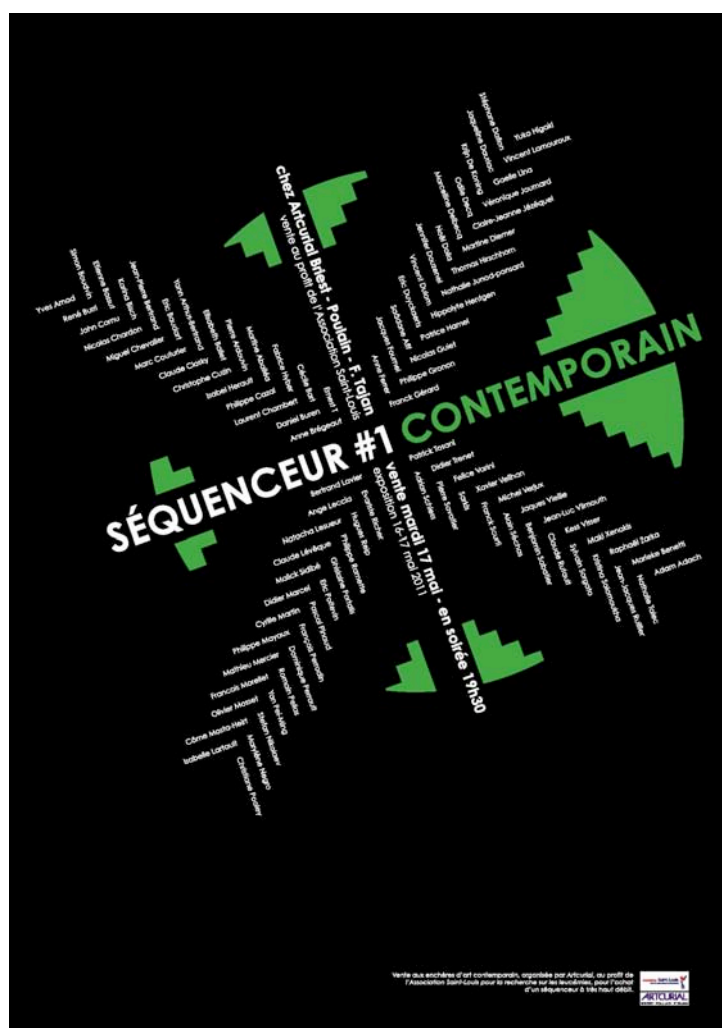
"Collectionner et sauver des vies"

Vente aux enchères d'art contemporain, organisée par Artcurial Briest-Poulain-F. Tajan,
au profit de l'Association Saint-Louis,
pour la recherche sur les leucémies.

Mardi 17 mai - 20h00 - vente

Lundi 16 mai - 11h à 19h - exposition

Mardi 17 mai - 11h à 19h - exposition



95 artistes se sont réunis pour une vente du cœur. L'Association Saint-Louis salue leur engagement. Si l'œuvre vit par celui qui la regarde, le malade vit par celui qui le soigne et qui cherche. Grâce à la générosité des artistes et à vous, collectionneurs, à la persévérance des chercheurs, nous atteindrons notre objectif, toujours plus de guérison.

Anne-Catherine Labuzan

Secrétaire générale de l'Association Saint-Louis

Artistes donateurs :

Adam Adach, Yann Arthus-Bertrand, Martine Aballéa, Saâdane Afif, Pierre Ardouvin, Elisabeth Ballet, Cécile Bart, Eric Baudart, Marieke Benetti, Jean-Pierre Bertrand, Karina Bisch, Etienne Bossut, Simon Boudvin, Anne Bréjeaut, Daniel Buren, René Burri, Philippe Cazal, Laurent Chambert, Nicolas Chardon, Miguel Chevalier, Claude Closky, John Cornu, Marc Couturier, Christophe Cuzin, Stéphane Dafflon, Jaqueline Dauriac, Krijn De Koning, Odile Decq, Marceline Delbecq, Martine Diemer, Noël Dolla, Jennifer Douzenel, Vincent Dulom, Eric Duyckaerts, Ernest T, Anne Ferrer, Jacques Fournel, Franck Gérard, Philippe Gronon, Nicolas Guiet, Patrice Hamel, Heralud-Arnod, Hippolyte Hentgen, Yuko Higaki, Thomas Hirschhorn, Fabrice Hyber, Claire-Jeanne Jézéquel, Véronique Joumart, Nathalie Junod-Ponsard, Vincent Lamouroux, Isabelle Lartault, Bertrand Lavier, Ange Leccia, Natacha Lesueur, Claude Lévêque, Didier Marcel, Cyrille Martin, Philippe Mayaux, Mathieu Mercier, François Morellet, Olivier Mosset, Côme Mosta-Heirt, Marylène Negro, Stefan Nikolaev, Yan Pei-Ming, Romain Pellas, Dominique Perrault, François Perrodin, Pascal Pinaud, Eric Poitevin, Chritiane Pooley, Ghislaine Portalis, Philippe Ramette, Hugues Reip, Evariste Richer, Jean-Jacques Ruillier, Claude Rutault, Benjamin Sabatier, Sarkis, Pierre Savatier, Adrian Schiess, Luc Schuhmacher, Franck Scurti, Alain Séchas, Malick Sidibé, Kristina Solomoukha, Sylvain Sorgato, Nathalie Talec, Patrick Tosani, Didier Trenet, Felice Varini, Xavier Veilhan, Michel Verjux, Jacques Vieille, Jean-Luc Vilmouth, Kees Visser, Mâkhi Xenakis, Raphaël Zarka.

Grâce à cette vente, l'Association Saint-Louis pour la recherche sur les leucémies souhaite doter l'Institut Universitaire d'Hématologie de l'Hôpital Saint-Louis d'un séquenceur à très haut débit.

Ce projet prioritaire, essentiellement soutenu par l'Association Saint-Louis, consiste à mettre en œuvre la nouvelle technologie dite de « Séquençage à très Haut Débit ». Cette approche d'analyse génétique globale permettra la recherche systématique des facteurs impliqués dans la genèse des leucémies en particulier, mais également de toutes autres formes de cancers. Grâce à l'intégralité de l'information génétique fournie par cette technologie, les projets de recherche auront accès au contexte génétique particulier de chaque patient étudié. Cette approche globale permettra de développer des outils d'analyses et de diagnostic individuel qui seront directement applicables à la clinique, et qui contribueront à une médecine personnalisée.

Remerciements : Les artistes, Florence Diemer (encadrements), Antoine de Roux (photographies), Maître François Tajan, Laurent Chambert (affiche), Felice Varini, Eric Bailoni, Hyo-Seok Jin, Heymann, Renault Associées (relations presse)...

Contact presse

Sarah Heymann

Heymann, Renault Associées

29, rue Jean-Jacques Rousseau

75001 - Paris

E-mail : s.heyman@heyman-renoult.com

Tel. : 00 33 1 44 61 76 76

<http://www.heyman-renoult.com>



Association Saint-Louis
Pour la recherche sur les leucémies

Le séquençage complet des génomes des cellules leucémiques : un outil crucial pour une prise en charge personnalisée des maladies malignes du sang.

Le séquençage complet du génome humain a ouvert la voie vers une analyse complète des déterminants génétiques des maladies. Associée à des développements technologiques majeurs permettant de limiter le nombre d'expériences et leurs durées et à la genèse de nouveaux outils d'analyse bioinformatique, cette connaissance a permis la découverte de très nombreux gènes de prédisposition pour des maladies touchant tous les domaines de la santé. Dans le cadre de l'hématologie et de la cancérologie, les questions à résoudre sont plus complexes, car les chercheurs et médecins doivent prendre en compte, non seulement les variations génétiques propres aux individus mais aussi les altérations acquises du génome tumoral qui constituent l'essentiel des déterminants de ces affections.

Jusqu'à une date récente, les méthodes de séquençage des génomes restaient hors de portée des Instituts de recherche pour des questions de coût et les approches de génomique du cancer faisaient appel à des techniques dites de puces à ADN qui n'abordent les problématiques de génomique que d'une façon incomplète et parfois insuffisamment sensible. Ces méthodes, actuellement utilisées à l'IUH, ont eu toutefois le mérite de permettre une première classification moléculaire des leucémies et d'identifier des gènes critiques pour le développement de ces maladies. L'analyse totale du génome attendait toutefois l'apparition de nouvelles méthodes de séquençage à cout limité de mise en oeuvre.

C'est à présent chose faite, avec l'apparition des instruments de nouvelle génération utilisant les techniques de séquençage massivement parallèle de courts fragments du génome. Ainsi que le montrent des publications récentes, il est à présent possible d'obtenir dans des délais raisonnables la séquence complète d'un génome humain et de sa contre partie leucémique et ce à des couts qui devraient être encore divisés par un facteur 10 dans les toutes prochaines années, la cible annoncée se situant aux alentours de 1000 dollars par génome. Il deviendra possible d'inclure ce type d'analyse dans des recherches puis des applications médicales concernant un nombre élevé de patients. Il faut souligner que ces méthodes permettent non seulement d'identifier les altérations importantes et mineures des chromosomes mais peuvent aussi être utilisées pour caractériser les produits des gènes ou la régulation de leur expression, donnant accès à des notions de perturbation des réseaux génétiques, indispensable à la compréhension des conséquences fonctionnelles des anomalies chromosomiques. Ces stratégies génèrent des quantités massives de données qui ne peuvent être traitées que sur des serveurs ou clusters d'ordinateurs munis de très importantes ressources de stockage de l'information.

Actuellement, les prix complets de ces installations fournis par les deux principaux fournisseurs (Illumina, Life Technologies), se situent autour de 700 000 €.

Association Saint-Louis pour la recherche sur les leucémies

Reconnue d'utilité publique par décret du 14 décembre 2004

7, rue Lamennais – 75008 Paris

Tél. 01 45 63 24 58 – info@association-saint-louis.org

www.association-saint-louis.org

Contact : Anne-Catherine Labuzan – 06 77 55 76 26